

Curriculum Vitae

Nome	Giovanni Luca
Cognome	Scaglione
Data di nascita	
Nato a	Catanzaro (CZ)
Nazionalità	Italiana
Indirizzo di residenza	Catanzaro (CZ) 88100 - Italia
email	g.scaglione@idi.it [lavoro] giovanniluca.scaglione@biologo.onb.it [pec]
Telefono	349-2520131
Identificativi digitali	ORCID ID: https://orcid.org/0000-0001-5622-7843 Scopus ID: 35485622800 Research ID: ABD-6776-2020

Profilo professionale

Biologo, PhD, Specializzazione | Bioinformatica e biochimica | Biologo con 15 anni di esperienza nella diagnostica clinica, molecolare e personalizzata. Il mio portfolio professionale è fortemente indirizzato alla medicina di precisione.

Nella mia carriera ho sviluppato diversi strumenti *ad hoc* per la gestione di dati NGS per le *routine* del laboratorio di biologia molecolare.

Ho una comprovata esperienza nella gestione di *pipeline* bioinformatiche per lo sviluppo, la produzione, l'analisi e la gestione dei dati NGS, nonché nell'interpretazione di alterazioni genomiche qualitative e quantitative associate al cancro umano e nelle malattie rare.

Nel corso di questi anni ho svolto con entusiasmo un ruolo chiave nella gestione delle relazioni con il mondo accademico e con le aziende produttrici di piattaforme bioinformatiche all'avanguardia per test diagnostico-molecolari.

Sono fortemente motivato a svolgere attività di insegnamento come precedentemente sperimentato in contesti accademici e non accademici. Ho una forte inclinazione ad interagire con persone di paesi e culture diverse e condividere con loro obiettivi e interessi comuni.

Attività di ricerca

04.2025 Collaborazione scientifica, I.N.T. Fondazione Pascale - Centro Ricerche Oncologiche, SC
- Oncologia Medica di Uro-Ginecologia, Napoli, Italia.

oggi **Responsabilità scientifica:** Bioinformatica/Analisi Dati/Multi-omica

Attività scientifica: Interpretazione delle Varianti Genetiche, Utilizzo di Tool Bioinformatici Certificati, Interpretazione di dati HRD, Analisi di Dati Microbiologici

Finalità

- Interpretazione di varianti genetiche somatiche e germline (SNP/indel/CNV) applicate allo studio di dati derivanti da Whole Genome Sequencing (WGS), Whole Exome Sequencing (WES) e pannelli genici NGS target, con particolare riferimento ai pazienti affetti da cancro ovarico, mammario e altre tipologie tumorali.
- Utilizzo di tool bioinformatici commerciali certificati ID/IVDR, specificamente dedicati alla diagnostica molecolare in ambito oncologico su dataset genetici e trascritto mici
- Interpretare e integrare i dati ottenuti da software per il calcolo dello score HRD in campioni somatici oncologici.
- Interpretare e analizzare dati microbiologici mediante strategie di sequenziamento rRNA S16.

01.2024 Bioinformatico, Direzione Scientifica, Istituto Dermatologico dell'Immacolata (IDI),
- Fondazione Luigi Maria Monti, IRCCS, Roma, Italia.

oggi **Responsabilità scientifica:** Bioinformatica/Analisi Dati/Multi-omica

Attività scientifica: Implementazione di strumenti bioinformatici per l'acquisizione, analisi e rappresentazione di dati clinici mediante integrazione di dati multi-omici.

Finalità

- 1. Analisi bioinformatica dei dati NGS dei polimorfismi genetici nelle popolazioni di pazienti psoriasici trattati con secukinumab o anti-IL-23p19, guselkumab e risankizumab.
- Caratterizzazione del profilo genetico di pazienti con dermatite atopica, mediante dati NGS, per l'identificazione di SNP in geni predisponenti alla malattia.
- Analisi di RNA-seq (riferimento pubblicazione: n° 1) , Analisi HRD e Esoma clinico (riferimento pubblicazione: n° 2-5), Analisi di dati Microbiologici (riferimento pubblicazione: n° 6), Analisi Metilazione.
- Disegno di "pipelines" di analisi adatte agli oncochip di campioni tumorali di melanoma sviluppati da Alleanza contro il Cancro (ACC)

07.2019 - 01.2024 Bioinformatico, Laboratorio di Immunologia Sperimentale e Oncologia Molecolare, Istituto Dermatologico dell'Immacolata (IDI), Fondazione Luigi Maria Monti, IRCCS, Roma, Italia.

Responsabilità scientifica: Bioinformatica/Analisi Dati/Rappresentazione di dati NGS per l'oncologia molecolare.

Attività scientifica: Interpretazione di varianti (SNP/CNV) somatiche e germline mediante pipeline dedicate per: calcolo del TMB, dati WES e pannelli genici NGS target per patologie psoristiche.

Finalità

- Interpretazione e analisi di dati sequenziamento S16 rRNA di pazienti affetti da malattie dermatologiche (riferimento pubblicazione: n° 6, 26)
- Profilo molecolare mediante tecniche di Exome Sequencing di pazienti affetti da patologie dermatologiche (riferimento pubblicazione: n° 7-11)
- Membro del gruppo 'Alliance Against Cancer (ACC) Working Project 5 (WP5)' impegnato nelle fasi di scripting, debugging e testing del tool TMBleR R per il calcolo del TMB. (riferimento pubblicazione: n°20)
- Recupero e interpretazione dei dati dal portale NCBI Gene Expression Omnibus (GEO) mediante GEO2R e GEOquery Bioconductor per lo studio dei pathway infiammatori coinvolti nella psoriasi. (riferimento pubblicazioni: n° 21, 22)
- Interpretazione e annotazione di varianti genetiche (SNP) di pazienti affetti da patologie infiammatorie immuno-mediate. (riferimento pubblicazione: n° 18, 23)
- Implementazione di pipeline bioinformatiche NGS per lo studio degli SNP estratti da pannelli di geni dedicati per lo studio di pazienti psoriasici. (riferimento pubblicazione: n° 25)

03.2022 - 09.2023 Bioinformatico, Research Unit, Società di Medicina Materno Fetale s.p.a

Responsabilità scientifica: Bioinformatica/Analisi Dati/Rappresentazione di dati NGS per screening neonatale NIPT.

Attività scientifica: Interpretazione di varianti (SNP/CNV) somatiche e germline mediante pipeline dedicate per: calcolo del NIPT, dati WES, pannelli genici NGS target e Orologio biologico epigenetico.

Finalità

- Recupero e interpretazione dei dati dal portale NCBI Gene Expression Omnibus (GEO) mediante GEO2R e GEOquery Bioconductor per lo studio di dati di sequenziamento epigenetici per il calcolo dell'età biologica
- Gestione e Interpretazione di pipeline bioinformatiche NGS per lo studio dei dati NIPT estratti da workflow custom

01.01.2020 Bioinformatico, Laboratorio di Oncogenomica – CEINGE - Biotecnologie Avanzate
- **Responsabilità scientifica:** Bioinformatica/Analisi Dati/Rappresentazione di dati NGS
31.12.2021 per l'oncologia molecolare.

Attività scientifica: Interpretazione di varianti (SNP/CNV) somatiche e germline mediante pipeline dedicate per: analisi dati shallow WGS, TMB, dati clinici WES e pannelli genici NGS target per il cancro ovarico e mammario e altre tipologie di tumore.

Finalità

- Sviluppo di software per il calcolo dello score HRD in pazienti affetti da sindrome HBOC (riferimento pubblicazione: 5, 11, 14. Riferimento Abstract e Poster: n°1)
- Interpretazione e Analisi dati di sequenziamento 16S rRNA di campioni nasofaringei di pazienti COVID-19 positivi . (riferimento pubblicazione n° 16, 24)
- Interpretazione e analisi di varianti genetiche in pazienti affetti da sindrome HBOC (riferimento pubblicazione: n° 17, 23)

2018 Collaborazione scientifica con il Dipartimento di Biochimica Clinica, Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma, Italia.

Finalità

- Sviluppo di un tool bioinformatico *in house* per la predizione di Copy Number Variations (CNV) nei geni *BRCA1/2*. (riferimento pubblicazione: n° 32)
- Referente/supervisore bioinformatico nel progetto multicentrico 'BRCA4 beta testing' in collaborazione con Multiplicom NV per il sito IDI- ROME

2017 Collaborazione scientifica con il Laboratorio di Diagnostica Molecolare Avanzata (DIMA),
- Istituto Dermopatico dell'Immacolata (IDI), Fondazione Luigi Maria Monti, IRCCS,
2018 Roma, Italia.

Responsabilità scientifica: Bioinformatica/Analisi Dati/Rappresentazione di dati NGS di patologie dermatologiche rare.

Finalità

- Sviluppo di pipeline bioinformatiche *ad hoc* per l'estrazione, sanificazione e analisi di pannelli Illumina e ThermoFisher NGS per lo studio di biomarker per la medicina personalizzata in pazienti affetti da psoriasi
- Sviluppo di tool analitici diagnostici alternativi sensibili, economici e robusti per target molecolari. (riferimento pubblicazioni: n° 29-31)

- 03.2017** Collaborazione scientifica con il laboratorio di Oncologia Molecolare, Università Cattolica del Sacro Cuore. Campobasso, Italia.
-
11.2017 **Responsabilità scientifica:** Sviluppo e validazione di pipeline bioinformatiche per il test molecolare dei geni *BRC A*.

Finalità

- Collaborazione scientifica con Multiplicom NV, Niel, Belgio. Supporto tecnico e testing/debugging del software (variant caller) MASTR Reporter in fase di pre-produzione

- 09.2015** Collaborazione Scientifica con il Dipartimento di Pediatria, Divisione di Neonatologia, Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma, Italia. Shire Trials ROPP-2008-01
-
03.2016 “Prevention Study of Retinopathy of Prematurity (ROP) in Extremely in Premature Infants”.

Responsabilità Scientifica: Supervisore delle analisi dei livelli ematici IGF-1 levels (oltre 100 test) per la valutazione della sicurezza e dell’efficacia della somministrazione del farmaco per il sito di Roma (Ospedale A.Gemelli).

Finalità

- Biologo supervisore per l’analisi IGF-1 ELISA: proficiency test, dosaggi ed analisi per il sito ROME(11) – Gemelli (membro del team dello studio: J Pediatr. 2019 Mar;206:56-65.e8. doi: 10.1016/j.jpeds.2018.10.033)
- Data reporting e discussione risultati nello studio multi-centrico (Shire Trials ROPP-2008-01)

- 09.2014** Collaborazione scientifica con NoemaLIFE s.p.a – Bologna, Italia.
-
08.2015 **Responsabilità:** “Referente locale per l’installazione del modulo software DNLab Laboratory Information System (LIS) presso il Laboratorio di Biochimica Clinica del Policlinico Universitario Agostino Gemelli di Roma.

Finalità

- Pianificazione, configurazione e test dei protocolli di comunicazione del modulo DNLab tra le unità strumentali del Laboratorio di Biochimica Clinica e il LIS/LIMS ospedaliero secondo le specifiche degli standard HL7

04.2011 Dottorando – Centro per la Ricerca sull’Emostasi, Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma, Italia .

12.2011; **Responsabilità scientifica:** Espressione e caratterizzazione *in vitro* dei domini funzionali del Fattore di von Willebrand umano.

-

09.2012 **Finalità**

- Competenze avanzate in tecniche spettroscopiche (Dynamics Light Scattering, Surface Plasmon Resonance, analisi UV-Visibile, Atomic Force Microscopy) e in sistemi microfluidici controllati per lo studio degli effetti strutturali delle forze di *shear stress* su proteine multimeriche. (riferimento pubblicazioni: n° 39, 41, 43)
- Standardizzazione di protocolli di espressione e purificazione in *E.coli* per i domini funzionali umani vWFA1-A2-A3
- Partecipazione alla sessione sperimentale MD/604 BM30B 20-04-2011/27-04-2011 presso la facility di cristallografia a raggi X del sincrotrone di Grenoble (Francia) con acquisizione di competenze nei metodi statistici e nella rappresentazione dati nell’ambito dell’analisi di sistemi biologici complessi

2009 Collaborazione scientifica con il Dipartimento di Biochimica, Università di Roma ‘La Sapienza’, Roma, Italia.

2013 **Responsabilità scientifica:** Caratterizzazione spettroscopica di proteine umane.

Finalità

- Caratterizzazione spettroscopica di proteine di mammiferi mediante Dynamic Light Scattering, spettroscopia UV/Visibile. (riferimento pubblicazioni: n° 40,42)
- Protocolli di Surface Plasmon Resonance (SPR) e analisi dati per lo studio di interazioni proteina-proteina, cellula-proteina e DNA-proteina (riferimento pubblicazioni: : n° 38, 42, 44, 45)

Formazione

- [07.07.2016] **Specializzazione** (Biochimica Clinica e Biologia Molecolare Clinica), Dipartimento di
01.07.2013 Biochimica Clinica, Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma. Italia
- **Relatore:** prof. Ettore Capoluongo e prof. Giovanni Scambia.
07.07.2016; **Titolo della tesi:** An integrative predictive NGS algorithm for Large Rearrangements
09.03.2008 of Human *BRC A1/2* genes.
-
31.10.2009
- [25.03.2013] **Dottorato di Ricerca** (Fisiopatologia e Farmacologia dell'Emostasi e della Trombosi),
01.11.2009 **Relatore:** prof. R. De Cristofaro e prof. A. Arcovito.
- **Titolo della tesi:** The Type 2B R1306W Natural Mutation Of Von Willebrand Factor
31.10.2012 Dramatically Enhances The Multimer Sensitivity To Shear Stress.
- [29.03.2007] **Laurea Magistrale** (Biotecnologie Mediche) Università Federico II di Napoli, Napoli,
Italia.
Relatore: prof.ssa Margherita Ruoppolo
Titolo della tesi: Functional Proteomics Study of the Human Ribosomal Protein S19.
- [21.02.2005] **Laurea Triennale** (Biotechnology of Health Trends Human Science) University of
Napoli Federico II, Naples, Italy.
Relatore: prof.ssa Paola Costanzo
Titolo della tesi: GST pull-down Interactome of Human Zinc Finger protein
ZNF224.

Attività di Insegnamento

- 2024-2025 **Docente** per il corso di bioinformatica e analisi dati nella Masterclass “Genomica e Medicina d Precisione” organizzato MICOM S.r.l. (provider ECM ID 758)
- 2025 **Invited Speaker** alla 11a edizione del “Meeting annuale sui Tumori Pituitari - Aggiornamento sulla ricerca e management degli adenomi/PitNET” - organizzato da DOTCOM S.r.l. (provided ECM ID 680)
- 2022-2023 **Docente** per il corso di bioinformatica e analisi dati nella Masterclass “Genomica e Medicina d Precisione” organizzato MICOM S.r.l. (provider ECM ID 758)
- 2022-2023 **Invited Speaker** alla 9a e 10a edizione del “Meeting annuale sui Tumori Pituitari - Aggiornamento sulla ricerca e management degli adenomi/PitNET” - organizzato da DOTCOM S.r.l. (provided ECM ID 680)
- 01.09.2018 **Docente** di Scienze in lingua inglese (Scuola Media e Siperiore) presso “RIS” Rome International School (Middle & High School - NACE Schools, ora Globeducate).
-
Rome International School – RIS srl, Roma. Italia.
- 31.08.2021
- 02.2018 **Docente** di Chimica in lingua inglese (IB/IGCSE) at “RIS” Rome International School (Middle & High School - LUISS University Network).
-
Rome International School – RIS srl, Roma. Italia.
- 06.2018
- 11.04.2016 **Docente** di Chimica (IB/IGCSE) presso “RIS” Rome International School (Middle & High School, LUISS University Network).
-
Rome International School – RIS srl, Roma. Italia.
- 30.06.2016
- 2015 - 2016 **Tutor/insegnante** per il corso di bioinformatica e analisi dati nel Master “Diagnostica Molecolare e Medicina Personalizzata” presso l’Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma, Italia.
- 2012 **Referente/Mentore** per studenti del: (i) Master in Diagnostica Molecolare e Medicina Personalizzata presso il Laboratorio di Biologia Molecolare, Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma, Italia; (ii) Dottorato in Biofisica presso il Laboratorio di Spettroscopia, Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma, Italia e
-
2015 (iii) Corso di Biotecnologie Mediche presso il Laboratorio di Spettroscopia, Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma, Italia.
- 2014 **Tutor/insegnante** di bioinformatica e statistica per il corso di formazione ‘Astrazeneca Personnel Training Course Session’ presso l’Ospedale Agostino Gemelli di Roma.

Borse di Studio

1. Fondi 5 per mille - Enti della Ricerca Sanitaria fellowship 01.07.2019 ad 18.12.2023 - Implementazione della bioinformatica clinica all'IDI-IRCCS per studi di farmacogenomica della psoriasi e di identificazione di malattie rare cutanee.
2. SiBioC 2021– Comunicazione orale - Large Genomic Alterations (LGAs) profiles in HBOC patients using shallow WGS (sWGS) pipeline for the assessment of Homologous Recombination Deficiency (HRD) score.
3. Borsa di studio dal 03.2017 al 11.2017 presso il Laboratorio di Oncologia Molecolare, Università Cattolica del Sacro Cuore, Campobasso, Italia
Responsabilità scientifica: Sviluppo e validazione di pipeline bioinformatiche per il test molecolare dei geni *BRC4*.
4. SiBioC 2017 – Comunicazione orale “Mutational Landscape Profile in Breast Cancer by Liquid Biopsy”.
5. Borsa di studio dal 09.2015 to 03.2016 presso il Dipartimento di Pediatria, Divisione di Neonatologia, Università Cattolica del Sacro Cuore, Roma, Italia. Shire Trials ROPP-2008-01 “Prevention Study of Retinopathy of Prematurity (ROP) in Extremely in Premature Infants”.
6. Borsa di studio con NoemaLIFE s.p.a dal 09.2014 al 08.2015 – Bologna, Italia.
Responsabilità scientifica: “Local Supervisor during the installation of DNLab Laboratory Information System (LIS) module in the Clinical Biochemistry laboratories of the University Hospital Gemelli in Rome”.
7. SiBioC 2013 – Premio per il progetto: “SMART e-LEARNING LAB. MED. ASSISTANCE (SeLLMA)”.
8. Borsa di studio in qualità di dottorando dal 07.2012 al 09.2012 - Progetto: “Effect of Shear Stress on the Conformational Changes of WT and Type 2b Human von Willebrand Factor”
Research Responsibilities: espressione e caratterizzazione *in vitro* dei domini funzionali del fattore di von Willebrand umano.
9. Borsa di studio in qualità di dottorando dal 04.2011 al 12.2011 - Progetto: “Expression and Characterization of Functional Domains of Human vWF and Their Role in Primary Haemostasis”.
Responsabilità scientifica: Caratterizzazione spettroscopica dell'interazione della proteina ricombinante R1306W vWF e il recettore piastrinico GpIb.

Competenze principali

Bioinformatica	Consolidata esperienza nell'analisi dati NGS ottenuti da pannelli target, WES, WGS. <i>Programmi:</i> R, Python, Bash <i>Tool NGS (lista parziale):</i> SNPeff, VEP, Annovar, Samtools, Bedtools, IGV, Partek Flow, PierianDx's Clinical Genomics WorkSpace (CGW), SOPHiA DDM. <i>Sistemi Operativi:</i> UNIX, Windows.
Analisi dati	Software di Analisi Statistica (R, Rstudio, STATA, SPSS, GraphPad).
Biochimica	Caratterizzazione spettroscopica di proteine di mammifero, Dynamic Light Scattering, spettroscopia UV/Visibile, Surface Plasmon Resonance (SPR) e analisi dati di interazioni: proteina-proteina, cellula-proteina e DNA-proteina.
Biofisica	Microscopia a Forza Atomica (AFM), Microscopia Elettronica a Scansione (SEM).
Sistemi microfluidici	Protocolli con camere a flusso controllato per lo studio dell'effetto delle forze di <i>shear stress</i> su piastrine umane.
ITC	Configurazione e manutenzione delle unità software del 'Sistema Informatico di Laboratorio (LIS)' per laboratori di biochimica clinica.

Competenze secondarie

- Capacità di lavorare in team
- Forte inclinazione al Team building
- Capacità di problem solving
- Abilità di comunicazione scritta
- Forte inclinazione alla costruzione e al consolidamento di relazioni umane e professionali
- Empatia
- Atteggiamento tollerante e rispettoso nei confronti dell'opinione altrui
- Forte etica del lavoro
- Rispetto delle scadenze

Interessi

Musicista (basso, chitarra e contrabbasso) in formazioni professionali e non. Pallacanestro (playmaker/point guard)
--

Società Scientifiche

- 2019 - 2024** Membro del Working Group 5 (cancer signatures) di Bionformatica della rete Nazionale di Oncologia ‘Alliance Against Cancer (ACC)’.
- 2013 - oggi** Membro della SiBioC (Società Italiana di Biochimica Clinica e Biologia Molecolare Clinica) [da cui membro delle società europee: Clinical Chemistry and Laboratory Medicine (IFCC)/European Society of Clinical Chemistry and Laboratory Medicine (EFLM)]
- 2011 - 2012** SIB (Società Italiana di Biochimica e Biologia Molecolare) [società costituente della Federation of European Biochemical Societies (FEBS)]

Qualifiche

- 15.08.2018** - **12.09.2018** Workshop Chemistry category 1 – IB Online Professional Development department (science course). International Baccalaureate Organization, 7501 Wisconsin Avenue, Suite 200 West, Bethesda, Maryland, 20814
- 01.2013 to 06.2013** Certificazione dell’American Association for Clinical Chemistry, Inc. (AACC) ACCENT® Office 1850 K Street, NW Suite 625 Washington, DC 20006-2213 per lo svolgimento del corso “Basic Principles and Architecture of Laboratory Information Systems Certificate Program 2013”

Attività di revisore

- 2024** Dermatology Practical & Conceptual
- 2023** Heliyon
- 2022** Frontiers in Oncology, section Cancer Molecular Targets and Therapeutics
Frontiers in Microbiology
- 2020** Breast Cancer Research and Treatment
Journal of Medical Genetics
Heliyon
- 2019** OncoTargets and Therapy
- 2020** Breast Cancer Research and Treatment
Journal of Medical Genetics
Heliyon
- 2019** OncoTargets and Therapy

Pubblicazioni Scientifiche

Web of Science h-Index: 16

Scopus h-index: 16

Peer-Reviewed

* co-autori

1. Cristofolletti C, Salvatore G, Bassi C, Negrini M, **Scaglione GL**, Mazzarella L, Frigè G, Minafò YA, Fioretti M, Monopoli A, Accetturi MP, Pilla MA, Di Raimondo C, Frezzolini A, Scala E, D'Atri S, Russo G, Narducci MG. Expressed mutated genes in Sezary syndrome and their potential prognostic value in patients treated with extracorporeal photopheresis. *Front Immunol.* 2025 Aug 22;16:1589467. doi: 10.3389/fimmu.2025.1589467. PMID: 40918137; PMCID: PMC12411188.
2. **Scaglione GL**, Lombardo V, Polano M, Scandurra G, Pettinato A, Giunta C, Iemmolo R, Scollo P, Capoluongo ED. Real-World Analysis of HRD Assay Variability in High-Grade Serous Ovarian Cancer: Impacts of BRCA1/2 Mutation Subtypes on HRD Assessment. *Biomolecules.* 2025 May 21;15(5):745. doi: 10.3390/biom15050745. PMID: 40427638; PMCID: PMC12110076.
3. Chiloiro S*, Costanza F*, **Scaglione GL***, Russo F, Nardelli C, Giampietro A, Mattogno PP, Lauretti L, Rindi G, De Marinis L, Gessi M, Bianchi A, Doglietto F, Capoluongo ED, Pontecorvi A. Genes of the "regulation of lymphocyte activation" pathway may influence immune cells infiltration in growth hormone secreting pituitary tumors. *Pituitary.* 2025 May 26;28(3):63. doi: 10.1007/s11102-025-01537-w. PMID: 40415137; PMCID: PMC12104112.
4. Lombardo V, Scandurra G, Pettinato A, **Scaglione GL**, Scollo P, Capoluongo ED. Identification of the novel BRCA1 c.2463_2464delTA mutation in two high grade serous ovarian cancer sisters and potential dosage effects implications: a case report. *Mol Biol Rep.* 2025 Jan 7;52(1):103. doi: 10.1007/s11033-024-10213-4. Erratum in: *Mol Biol Rep.* 2025 Feb 7;52(1):210. doi: 10.1007/s11033-025-10317-5. PMID: 39775979.
5. Pellegrino B, Capoluongo ED, Bagnoli M, Arenare L, Califano D, Scambia G, Cecere SC, Silini EM, **Scaglione GL**, Spina A, Tognon G, Campanini N, Pisano C, Russo D, Pettinato A, Scollo P, Iemmolo R, De Cecco L, Musolino A, Marchini S, Beltrame L, Paracchini L, Perrone F, Mezzanzanica D, Pignata S. Unraveling the complexity of HRD assessment in ovarian cancer by combining genomic and functional approaches: translational analyses of MITO16-MaNGO-OV-2 trial. *ESMO Open.* 2025 Jan 3;10(1):104091. doi: 10.1016/j.esmoop.2024.104091. Epub ahead of print. PMID: 39754985.

6. Bruni E*, **Scaglione GL***, Tampone D, Primerano A, Bartolini B, Tenoglio CA, Di Campi C, Collina MC, Odorisio T, Failla CM. The healing process of diabetic ulcers correlates with changes in the cutaneous microbiota. *Sci Rep.* 2024 Nov 12;14(1):27628. doi: 10.1038/s41598-024-77987-2. PMID: 39528566; PMCID: PMC11554885.
7. Pascolini G, **Scaglione GL**, Mariotti F, Concolino P, Minucci A, Didona B, Castiglia D, Di Zenzo G. Evidence of a Dose-Dependent Phenotypic Effect of the Desmoplakin (DSP) c.273+5G > A Variant in a Child With Palmoplantar Keratoderma and Woolly Hair Association. *Exp Dermatol.* 2024 Nov;33(11):e70012. doi: 10.1111/exd.70012. PMID: 39582392.
8. Pascolini G, **Scaglione GL**, Chandramouli B, Castiglia D, Di Zenzo G, Didona B. Broadening the <i>PHIP</i>-Associated Neurodevelopmental Phenotype. *Children (Basel).* 2024 Nov 17;11(11):1395. doi: 10.3390/children11111395. PMID: 39594970; PMCID: PMC11593145.
9. Pira A, Mariotti F, Moro F, Didona B, **Scaglione GL**, Panebianco A, Abeni D, Di Zenzo G. COVID-19 Vaccine: A Potential Risk Factor for Accelerating the Onset of Bullous Pemphigoid. *Vaccines (Basel).* 2024 Sep 5;12(9):1016. doi: 10.3390/vaccines12091016. PMID: 39340046; PMCID: PMC11436231.
10. Primerano A, De Domenico E, Cianfarani F, De Luca N, Floriddia G, Teson M, Cristofolletti C, Cardarelli S, **Scaglione GL**, Baldini E, Cangelosi D, Uva P, Reinoso Sánchez JF, Roubaty C, Dengjel J, Nyström A, Mastroeni S, Ulisse S, Castiglia D, Odorisio T. Histone deacetylase inhibition mitigates fibrosis-driven disease progression in recessive dystrophic epidermolysis bullosa. *Br J Dermatol.* 2024 May 31;ljae225. doi: 10.1093/bjd/ljae225. Epub ahead of print. PMID: 38820176.
11. Pignata S, Califano D, Lorusso D, Arenare L, Bartoletti M, De Giorgi U, Andreetta C, Pisano C, Scambia G, Lombardi D, Farolfi A, Cinieri S, Passarelli A, Salutari V, De Angelis C, Mignogna C, Priolo D, Capoluongo ED, Tamberi S, **Scaglione GL**, Arcangeli V, De Cecio R, Scognamiglio G, Greco F, Spina A, Turinetto M, Russo D, Carbone V, Casartelli C, Schettino C, Perrone F. MITO END-3: efficacy of avelumab immunotherapy according to molecular profiling in first-line endometrial cancer therapy. *Ann Oncol.* 2024 May 3:S0923-7534(24)00128-5. doi: 10.1016/j.annonc.2024.04.007. Epub ahead of print. PMID: 38704093.
12. Russo F, Cioppa V, Lazzeri L, Milanesi N, Galluzzo M, D'Erme AM, Schettini N, Cocuroccia B, Sordi D, Panebianco A, Talamonti M, Paganini C, De Pità O, Giampetruzzi AR, **Scaglione GL**. Evaluating the Clinical Meaning of Dermatology Life Quality Index Scores Between Different Phenotypes of Atopic Dermatitis in Patients Before and After Biologic Therapy With Dupilumab. *Dermatitis.* 2024 Apr 26. doi: 10.1089/derm.2023.0357. Epub ahead of print. PMID: 38669092.

13. Morelli M, Carbone ML, **Scaglione GL**, Scarponi C, Di Francesco V, Pallotta S, De Galitiis F, Rahimi S, Madonna S, Failla CM, Albanesi C. Identification of immunological patterns characterizing immune-related psoriasis reactions in oncological patients in therapy with anti-PD-1 checkpoint inhibitors. *Front Immunol.* 2024 Mar 1;15:1346687. doi: 10.3389/fimmu.2024.1346687. PMID: 38495872; PMCID: PMC10940473.
14. **Scaglione GL**, Pignata S, Pettinato A, Paolillo C, Califano D, Scandurra G, Lombardo V, Di Gaudio F, Pecorino B, Mereu L, Scollo P, Capoluongo ED. Homologous Recombination Deficiency (HRD) Scoring, by Means of Two Different Shallow Whole-Genome Sequencing Pipelines (sWGS), in Ovarian Cancer Patients: A Comparison with Myriad MyChoice Assay. *Int J Mol Sci.* 2023 Dec 4;24(23):17095. doi: 10.3390/ijms242317095. PMID: 38069422; PMCID: PMC10707691.
15. Nunziato M, Starnone F, Giordano S, D'Antonio M, Scognamiglio D, Esposito MV, Correria A, Di Maggio F, D'Argenio V, **Scaglione GL**, Castaldo G, Salvatore F. One-step NGS molecular analysis of the CFTR gene on newborn dried blood spots gives a higher diagnostic sensitivity in affected and carrier subjects: A pilot study. *Clin Chim Acta.* 2024 Ja
16. Nardelli C*, **Scaglione GL***, Testa D, Setaro M, Russo F, Di Domenico C, Atripaldi L, Zollo M, Corrado F, Salvatore P, Pinchera B, Gentile I, Capoluongo E. Nasal Microbiome in COVID-19: A Potential Role of *Corynebacterium* in Anosmia. *Curr Microbiol.* 2022 Dec 30;80(1):53. doi: 10.1007/s00284-022-03106-x. PMID: 36583787; PMCID: PMC9802018.
17. Nunziato M*, **Scaglione GL***, Di Maggio F, Nardelli C, Capoluongo E, Salvatore F. The performance of multi-gene panels for breast/ovarian cancer predisposition. *Clin Chim Acta.* 2023 Jan 15;539:151-161. doi: 10.1016/j.cca.2022.12.007. Epub 2022 Dec 13. PMID: 36521553.
18. Morelli M, Galluzzo M, Scarponi C, Madonna S, **Scaglione GL**, Girolomoni G, Talamonti M, Bianchi L, Albanesi C. Allelic Variants of HLA-C Upstream Region, *PSORS1C3*, *MICA*, *TNFA* and Genes Involved in Epidermal Homeostasis and Barrier Function Influence the Clinical Response to Anti-IL-12/IL-23 Treatment of Patients with Psoriasis. *Vaccines (Basel).* 2022 Nov 21;10(11):1977. doi: 10.3390/vaccines10111977. PMID: 36423071; PMCID: PMC9695538.

19. Capoluongo ED, Pellegrino B, Arenare L, Califano D, Scambia G, Beltrame L, Serra V, **Scaglione GL**, Spina A, Cecere SC, De Cecio R, Normanno N, Colombo N, Lorusso D, Russo D, Nardelli C, D'Incalci M, Llop-Guevara A, Pisano C, Baldassarre G, Mezzanzanica D, Artioli G, Setaro M, Tasca G, Roma C, Campanini N, Cinieri S, Sergi A, Musolino A, Perrone F, Chiodini P, Marchini S, Pignata S. Alternative academic approaches for testing homologous recombination deficiency in ovarian cancer in the MITO16A/MaNGO-OV2 trial. *ESMO Open*. 2022 Sep 22;7(5):100585. doi: 10.1016/j.esmoop.2022.100585. Epub ahead of print. PMID: 36156447; PMCID: PMC9512829.
20. Fancello L, Guida A, Frige G, Michel Ceol AG, Babini G, **Scaglione GL**, Zanfardino M, Mazza T, Ferrando L, Pelicci PG, Mazarella L. TMBleR, a bioinformatic tool to optimize TMB estimation and predictive power. *Bioinformatics*. 2021 Dec 20;btab836. doi: 10.1093/bioinformatics/btab836. Epub ahead of print. PMID: 34927668.
21. Mercurio L, Morelli M, Scarponi C, **Scaglione GL**, Pallotta S, Albanesi C, Madonna S. PI3K δ Sustains Keratinocyte Hyperproliferation and Epithelial Inflammation: Implications for a Topically Druggable Target in Psoriasis. *Cells*. 2021 Oct 2;10(10):2636. doi: 10.3390/cells10102636. PMID: 34685616; PMCID: PMC8534452.
22. Mercurio L, Morelli M, Scarponi C, **Scaglione GL**, Pallotta S, Avitabile D, Albanesi C, Madonna S. Enhanced NAMPT-Mediated NAD Salvage Pathway Contributes to Psoriasis Pathogenesis by Amplifying Epithelial Auto-Inflammatory Circuits. *Int J Mol Sci*. 2021 Jun 25;22(13):6860. doi: 10.3390/ijms22136860. PMID: 34202251; PMCID: PMC8267663.
23. De Angelis C, Nardelli C, Concolino P, Pagliuca M, Setaro M, De Paolis E, De Placido P, Forestieri V, **Scaglione GL**, Ranieri A, Lombardo B, Pastore L, De Placido S, Capoluongo E. Case Report: Detection of a Novel Germline PALB2 Deletion in a Young Woman With Hereditary Breast Cancer: When the Patient's Phenotype History Doesn't Lie. *Front Oncol*. 2021 Feb 24;11:602523. doi:10.3389/fonc.2021.602523. PMID: 33718150; PMCID: PMC7943848.
24. Nardelli C, Gentile I, Setaro M, Di Domenico C, Pinchera B, Buonomo AR, Zappulo E, Scotto R, **Scaglione GL**, Castaldo G, Capoluongo E. Nasopharyngeal Microbiome Signature in COVID-19 Positive Patients: Can We Definitely Get a Role to *Fusobacterium periodonticum*? *Front Cell Infect Microbiol*. 2021 Feb 15;11:625581. doi:10.3389/fcimb.2021.625581. PMID: 33659220; PMCID: PMC7919745.

25. Morelli M, Galluzzo M, Madonna S, Scarponi C, **Scaglione GL**, Galluccio T, Andreani M, Pallotta S, Girolomoni G, Bianchi L, Talamonti M, Albanesi C. HLA-Cw6 and other *HLA-C* alleles, as well as *MICB-DT*, *DDX58*, and *TYK2* genetic variants associate with optimal response to anti-IL-17A treatment in patients with psoriasis. *Expert Opin Biol Ther.* 2021 Feb;21(2):259-270. doi:10.1080/14712598.2021.1862082. Epub 2020 Dec 28. PMID:33297781.
26. **Scaglione GL**, Fania L, De Paolis E, De Bonis M, Mazzanti C, Di Zenzo G, Lechiancole S, Messinese S, Capoluongo E. Evaluation of cutaneous, oral and intestinal microbiota in patients affected by pemphigus and bullous pemphigoid: A pilot study. *Exp Mol Pathol.* 2020 Feb;112:104331. doi:10.1016/j.yexmp.2019.104331. Epub 2019 Nov 6. PMID: 31705881.
27. Fania L, Morelli M, Scarponi C, Mercurio L, Scopelliti F, Cattani C, **Scaglione GL**, Tonanzi T, Pilla MA, Pagnanelli G, Mazzanti C, Girolomoni G, Cavani A, Madonna S, Albanesi C. Paradoxical psoriasis induced by TNF- α blockade shows immunological features typical of the early phase of psoriasis development. *J Pathol Clin Res.* 2020 Jan;6(1):55-68. doi:10.1002/cjp2.147. Epub 2019 Oct 29. PMID: 31577850; PMCID: PMC6966707.
28. De Paolis E, **Scaglione GL**, De Bonis M, Minucci A, Capoluongo E. CYP24A1 and SLC34A1 genetic defects associated with idiopathic infantile hypercalcemia: from genotype to phenotype. *Clin Chem Lab Med.* 2019 Oct 25;57(11):1650-1667. doi: 10.1515/cclm-2018-1208. PMID: 31188746.
29. De Bonis M, De Paolis E, **Scaglione GL**, Fania L, Lavieri MM, Mazzanti C, Di Zenzo G, Minucci A, Capoluongo E. High-resolution melting analysis to screen the ST18 gene functional risk variant for pemphigus vulgaris: The occasion to open a debate on its usefulness in clinical setting. *Exp Mol Pathol.* 2019 Mar 26;108:57-63. doi: 10.1016/j.yexmp.2019.03.009. [Epub ahead of print] PubMed PMID: 30926339.
30. De Bonis M, Minucci A, **Scaglione GL**, De Paolis E, Zannoni G, Scambia G, Capoluongo E. Capillary electrophoresis as alternative method to detect tumor genetic mutations: the model built on the founder BRCA1 c.4964_4982del19 variant. *Fam Cancer.* 2019 Jan;18(1):29-35. doi: 10.1007/s10689-018-0094-2. PubMed PMID: 29934687.
31. De Paolis E, Minucci A, De Bonis M, **Scaglione GL**, Gervasoni J, Primiano A, Ferraro PM, Cappellani D, Marcocci C, Gambaro G, Capoluongo E. A rapid screening of a recurrent CYP24A1 pathogenic variant opens the way to molecular testing for Idiopathic Infantile Hypercalcemia (IIH). *Clin Chim Acta.* 2018 Jul; 482:8-13. doi: 10.1016/j.cca.2018.03.024. Epub 2018 Mar 21. PubMed PMID: 29574006.

32. **Scaglione GL**, Concolino P, De Bonis M, De Paolis E, Minucci A, Ferrandina G, Scambia G, Capoluongo E. A Whole Germline BRCA2 Gene Deletion: How to Learn from CNV In Silico Analysis. *Int J Mol Sci.* 2018 Mar 23;19(4). pii: E961. doi: 10.3390/ijms19040961. PubMed PMID: 29570666; PubMed Central PMCID: PMC5979302.
33. Concolino P, Rizza R, Hackmann K, Minucci A, **Scaglione GL**, De Bonis M, Costella A, Zuppi C, Schrock E, Capoluongo E. Identification and Characterization of a New BRCA2 Rearrangement in an Italian Family with Hereditary Breast and Ovarian Cancer Syndrome. *Mol Diagn Ther.* 2017 Oct;21(5):539-545. doi: 10.1007/s40291-017-0288-6. PubMed PMID: 28620890.
34. Minucci A, De Paolis E, Concolino P, De Bonis M, Rizza R, Canu G, **Scaglione GL**, Mignone F, Scambia G, Zuppi C, Capoluongo E. Competitive PCR-High Resolution Melting Analysis (C-PCR-HRMA) for large genomic rearrangements (LGRs) detection: A new approach to assess quantitative status of BRCA1 gene in a reference laboratory. *Clin Chim Acta.* 2017 Jul; 470:83-92. doi: 10.1016/j.cca.2017.04.026. Epub 2017 Apr 30. PubMed PMID: 28465148.
35. Minucci A, Scambia G, Santonocito C, Concolino P, Canu G, Mignone F, Saggese I, Guarino D, Costella A, Molinaro R, De Bonis M, Ferrandina G, Petrillo M, **Scaglione GL**, Capoluongo E. Clinical impact on ovarian cancer patients of massive parallel sequencing for BRCA mutation detection: the experience at Gemelli hospital and a literature review. *Expert Rev Mol Diagn.* 2015;15(10):1383-403. doi: 10.1586/14737159.2015.1081059. Epub 2015 Aug 26. Review. PubMed PMID: 26306726.
36. Molinaro R, Palumbo S, Concolino P, Rocchetti S, Rizza R, **Scaglione GL**, Minucci A, Capoluongo E. Incidental Finding of a Homozygous p.M348K Asymptomatic Italian Patient Confirms the Many Faces of Cystic Fibrosis. *Case Rep Genet.* 2015; 2015:289627. doi: 10.1155/2015/289627. Epub 2015 Apr 1. PubMed PMID: 25922769; PubMed Central PMCID: PMC4397493.
37. Concolino P, Costella A, Minucci A, **Scaglione GL**, Santonocito C, Salutati V, Scambia G, Zuppi C, Capoluongo E. A preliminary Quality Control (QC) for next generation sequencing (NGS) library evaluation turns out to be a very useful tool for a rapid detection of BRCA1/2 deleterious mutations. *Clin Chim Acta.* 2014 Nov 1; 437:72-7. doi: 10.1016/j.cca.2014.06.026. Epub 2014 Jul 5. PubMed PMID: 25007954.

38. Arcovito A, Chiarella S, Della Longa S, Di Matteo A, Lo Sterzo C, **Scaglione GL**, Federici L. Synergic role of nucleophosmin three-helix bundle and a flanking unstructured tail in the interaction with G-quadruplex DNA. *J Biol Chem*. 2014 Aug 1;289(31):21230-41. doi: 10.1074/jbc.M114.565010. Epub 2014 Jun 21. PubMed PMID: 24952945; PubMed Central PMCID: PMC4118085.
39. **Scaglione GL**, Lancellotti S, Papi M, De Spirito M, Maiorana A, Baronciani L, Pagliari MT, Arcovito A, Di Stasio E, Peyvandi F, De Cristofaro R. The type 2B p.R1306W natural mutation of von Willebrand factor dramatically enhances the multimer sensitivity to shear stress. *J Thromb Haemost*. 2013 Sep;11(9):1688-98. doi: 10.1111/jth.12346. PubMed PMID: 23819767
40. Bozzi M, Di Stasio E, **Scaglione GL**, Desiderio C, Martelli C, Giardina B, Sciandra F, Brancaccio A. Probing the stability of the "naked" mucin-like domain of human α -dystroglycan. *BMC Biochem*. 2013 Jul 1; 14:15. doi: 10.1186/1471-2091-14-15. PubMed PMID: 23815856; PubMed Central PMCID: PMC3704865.
41. Pozzi N, Acquasaliente L, Frasson R, Cristiani A, Moro S, Banzato A, Pengo V, **Scaglione GL**, Arcovito A, De Cristofaro R, De Filippis V. $\beta 2$ -Glycoprotein I binds thrombin and selectively inhibits the enzyme procoagulant functions. *J Thromb Haemost*. 2013 Jun;11(6):1093-102. doi: 10.1111/jth.12238. PubMed PMID: 23578283.
42. Chiarella S*, De Cola A*, **Scaglione GL***, Carletti E, Graziano V, Barcaroli D, Lo Sterzo C, Di Matteo A, Di Ilio C, Falini B, Arcovito A, De Laurenzi V, Federici L. Nucleophosmin mutations alter its nucleolar localization by impairing G-quadruplex binding at ribosomal DNA. *Nucleic Acids Res*. 2013 Mar 1;41(5):3228-39. doi: 10.1093/nar/gkt001. Epub 2013 Jan 16. PubMed PMID: 23328624; PubMed Central PMCID: PMC3597674.
43. Lancellotti S, De Filippis V, Pozzi N, Oggianu L, Rutella S, **Scaglione GL**, Maset F, Peyvandi F, Mannucci PM, De Cristofaro R. Oxidized von Willebrand factor is efficiently cleaved by serine proteases from primary granules of leukocytes: divergence from ADAMTS-13. *J Thromb Haemost*. 2011 Aug;9(8):1620-7. doi: 10.1111/j.1538-7836.2011.04367.x. PubMed PMID: 21605335.
44. Palladino P, **Scaglione GL**, Arcovito A, Maria Vitale R, Amodeo P, Vallone B, Brunori M, Benedetti E, Rossi F. Neuroglobin-prion protein interaction: what's the function? *J Pept Sci*. 2011 May;17(5):387-91. doi: 10.1002/psc.1333. Epub 2011 Feb 4. PubMed PMID: 21294227.

45. Federici L, Arcovito A, **Scaglione GL**, Scalonì F, Lo Sterzo C, Di Matteo A, Falini B, Giardina B, Brunori M. Nucleophosmin C-terminal leukemia-associated domain interacts with G-rich quadruplex forming DNA. *J Biol Chem.* 2010 Nov 26;285(48):37138-49. doi: 10.1074/jbc.M110.166736. Epub 2010 Sep 20. PubMed PMID: 20858903; PubMed Central PMCID: PMC2988320.

46. Pitocco D, Zaccardi F, Di Stasio E, Romitelli F, Martini F, **Scaglione GL**, Speranza D, Santini S, Zuppi C, Ghirlanda G. Role of asymmetric-dimethyl-L-arginine (ADMA) and nitrite/nitrate (NOx) in the pathogenesis of oxidative stress in female subjects with uncomplicated type 1 diabetes mellitus. *Diabetes Res Clin Pract.* 2009 Dec;86(3):173-6. doi: 10.1016/j.diabres.2009.09.019. PubMed PMID: 19836094.

Abstract e Poster

1. **Scaglione GL**, Nardelli C, Setaro M, Capoluongo ED. Large Genomic Alterations (LGAs) profiles in HBOC patients using shallow WGS (sWGS) pipeline for the assessment of Homologous Recombination Deficiency (HRD) score. "53rd National Congress of the Italian Society of Clinical Biochemistry and Clinical Molecular Biology (SIBioC – Laboratory Medicine)" *Clinical Chemistry and Laboratory Medicine (CCLM)*, vol. 59, no. 12, 2021, pp. eA99-eA122. <https://doi.org/10.1515/cclm-2021-1071>
2. **Scaglione GL**, De Paolis E, Minucci A, Capoluongo ED. Quantitative MPS Analysis of BRCA1/2 Genes. Novel CNeV Algorithm for Fast Screening of Large Genomic Rearrangements. Euromedlab Athens 2017 – Athens 11-15 June 2017
3. **Scaglione GL**, A. Minucci, F. Mignone, I. Saggese, C. Zuppi, E. Capoluongo. BRCA1/2 testing by massive parallel sequencing: highlights, shadows, or pitfalls?. SIBioC: 46th National Congress, Rome, Italy, 13–15 October 2014. DOI 10.1515/cclm-2014-0902 *Clin Chem Lab Med* 2014; 52(11): eA381–eA412
4. **Scaglione GL**, Guarino D, Concolino P, Santonocito C, Mignone F, Saggese I, Costella A, Minucci A, Capoluongo E. Performance Evaluation of Next Generation Sequencing (NGS) For BRCA1/2 Testing By a Novel Bioinformatics Analysis Tool (AMPLICON SUITE). IFCC Worldlab 2014 – Istanbul 22-26 June 2014
5. **Scaglione GL**, Lancellotti S, Papi M, De Spirito M, Maiorana A, Baronciani L, Pagliari MT, Arcovito A, Di Stasio E, Peyvandi F, De Cristofaro R. The Type 2B p.R1306W Natural Mutation of Von Willebrand Factor (VWF) Dramatically Enhances The Multimer Sensitivity To Shear Stress. FEBS 38th Congress – St. Petersburg 6-11 July 2013
6. **Scaglione GL**, Lancellotti S, Papi M, Maiorana A, Maulucci G, De Spirito M, Baronciani L, Peyvandi F, De Cristofaro R. Type 2B R1306W VWF does not have an increase of intrinsic binding affinity for GpIb, but shows an increased sensitivity to shear stress and an altered mechanism of spider web-like structures formation. (Blood Transfus 2012; 10 Suppl 4). Siset 2012 (Italian Society of Haemostasis and Thrombosis) – Vicenza 4-6 Ottobre 2012
7. **Scaglione GL**, Lancellotti S, Papi M, De Spirito M, Maiorana A, Baronciani L, Di Stasio E, Arcovito A, De Cristofaro R. Von Willebrand Factor (VWF) multimers in type 2b R1306W Von Willebrand Disease (VWD) patients have dramatic enhanced sensitivity to shear stress forces. SIB Proteine 2012 (Italian Society of Biochemistry) – Chieti 24-25 Settembre 2012

8. **Scaglione GL**, Lancellotti S, Papi M, De Spirito M, Maiorana A, Baronciani L, Di Stasio E, Arcovito A, De Cristofaro R. Von Willebrand Factor (VWF) multimers in type 2b R1306W Von Willebrand Disease (VWD) patients have dramatic enhanced sensitivity to shear stress forces. *Proteine 2012 – Chieti 24-25 September 2012*
9. **Scaglione GL**, Chiarella S, Lo Sterzo C, Di Matteo A, Federici L, Arcovito. Nucleophosmin acute myeloid leukemia mutant is unable to bind G-quadruplex sequences at ribosomal DNA in vitro. *Proteine 2012 – Chieti 24-25 September 2012*
10. **Scaglione GL**, Lancellotti S, Papi M, Maiorana A, Maulucci G, De Spirito M, Baronciani L, Peyvandi F, De Cristofaro R. Type 2B R1306W VWF does not have an increase of intrinsic binding affinity for GpIb, but shows an increased sensitivity to shear stress and an altered mechanism of spider web-like structures formation. XXII National Congress SISET (Italian Society of Haemostasis and Thrombosis) *Blood Transfus 2012; 10 Suppl 4*

Lingue

Italiano	Madrelingua
Inglese	Fluente

Data

Giovanni Luca Scaglione
